

FORMATO EUROPEO  
PER IL CURRICULUM  
VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **LAURA LA PAGLIA**  
E-mail [l.lapaglia@libero.it](mailto:l.lapaglia@libero.it)  
pec [laura.lapaglia@pec.it](mailto:laura.lapaglia@pec.it)

Nazionalità Italiana  
Data di nascita 01-06-1980

ESPERIENZA LAVORATIVA

Da settembre 2004 a luglio 2005 **Tirocinio e formazione** presso il **D.O.S.A.C** (Dipartimento di Oncologia Sperimentale e Applicazioni Cliniche) di Palermo.

Da agosto 2005 a dicembre 2005 **Tirocinio** presso l'**Unità di Genetica ed Oncologia Molecolare** del Centro Interdipartimentale di Ricerca in Oncologia Clinica, Facoltà di Medicina e Chirurgia dell'Università degli Studi di Palermo.

Da gennaio 2006 a dicembre 2008 **Dottorato di Ricerca** in Oncopatologia Cellulare e Molecolare XX Ciclo, presso il Dipartimento di Discipline Chirurgiche ed Oncologiche dell'Università degli Studi di Palermo.  
(n. protocollo 1937/07)

Anno Accademico 2005-2006 **Attività di didattica integrativa** al corso integrato di Biotecnologia in Oncologia Medica, Laurea Specialistica interfaccoltà di Biotecnologie.  
(n. protocollo 178/R/06 del 29/09/2006)

Dal 15 marzo 2007 al 15 ottobre 2007 **Stage** presso l'Istituto Marie Curie (Parigi, Francia), per un periodo di otto mesi, di cui è oggetto di ricerca lo studio di alterazioni geniche nel gene ATM ( Ataxia Telangiectasia Mutated) e riarrangiamenti cromosomici in famiglie con storia familiare di carcinoma della mammella, emopatie, BRCA1 e BRCA2 negativi.

Anno Accademico 2008-2009 **Attività di didattica integrativa** al corso integrato di Biotecnologia in Oncologia Medica, Laurea Specialistica interfaccoltà di Biotecnologie.

Dal 27 novembre 2008 al 14 maggio 2009 **Contratto di collaborazione coordinata e continuativa** per espletamento di attività di biologo per il progetto dal titolo "**Molecular Mechanisms controlling cancer stem cells survival in colorectal cancer**"  
(codice contratto: 302433)

Dal 01/06/2009 al 30/11/2011 **Assegno di Ricerca MiUR** per il progetto dal titolo: "**Ruolo dei miRNA nella regolazione del meccanismo molecolare della leptina nel carcinoma mammario**", Tutor: Prof. V. Bazan; Dipartimento di Discipline Chirurgiche ed Oncologiche  
(n. protocollo n.35956 del 19/05/2009, contratto n. 1121/2009; rinnovo n. prot. 83399/09 del 09/12/2009, contratto n. 2583/2209)

Dal 2006 al 2012

- **Esperienza** nel campo della **diagnostica con le seguenti mansioni:**
  - 'accettazione dei campioni,
  - catalogazione dei campioni pervenuti,
  - spiegazione del consenso informato al paziente, e successiva compilazione,
  - analisi di laboratorio dei campioni di DNA per :
    1. test genetici del gene EGFR per il carcinoma polmonare
    2. test genetici del gene KRAS per il carcinoma del polmone
    3. test genetici del gene BRAF per il melanoma sporadico
    4. test genetici dei geni BRCA1/2 per il carcinoma della mammella/ovaio di tipo ereditario
  - compilazione del referto e consegna al paziente,
  - creazione e gestione di database specifici per i test genetici,
  - archiviazione cartacea ed informatizzata di documentazione e cartelle mediche,
- Esperienza nell'emissione di richiesta di preventivi, e di ordini di laboratorio**  
**Esperienza gestione front-office**, maturata grazie all'attività di diagnostica, presso il Dipartimento di Discipline chirurgiche ed Oncologiche, U.S. di Oncologia Medica, Policlinico di Palermo

15/10/2014-15-06-2015

**Contratto di collaborazione coordinata e continuativa** per l'espletamento di esperto di elevata professionalità per lo svolgimento di "Analisi di dati di espressione genica provenienti da sequenziamento massivo con NGS, attraverso l'uso di strumenti bioinformatici innovativi", presso ICAR-CNR, nell'ambito del progetto PO FESR 2007/2013 Regione Siciliana – Linea di intervento 4.1.1.1 – Progetto "MIRCO – MicroRna in Clinica Oncologica".  
(n. protocollo 0002379 del 17/07/2014)  
Nell'ambito di tale progetto mi sono occupata dello sviluppo e applicazione di un algoritmo di Biclustering ISA2 a dati provenienti da Next Generation Sequencing (NGS) techniques, al fine di evidenziare specifici clusters di miRNA associabili a specifici fenotipi tumorali (carcinoma mammario).

10/07/2015-01/07/2018

**Assegno di Ricerca** per il progetto dal titolo: "MIRCO – MicroRna in Clinica Oncologica", Tutor Ing. Urso, presso ICAR-CNR, nell'ambito del progetto PO FESR 2007/2013 Regione Siciliana – Linea di intervento 4.1.1.1  
(n. protocollo conferimento assegno 0002626 del 10/07/2015)  
Nell'ambito di tale progetto mi sono occupata dell'applicazione di algoritmi per analisi di dati trascrittomici provenienti da NGS, dell' utilizzo di programmi bioinformatici specifici per l'analisi di espressione differenziale e di pathways, la visualizzazione e l'integrazione di dati derivanti da network. In particolare è stato sviluppato un database integrato di dati biologici di diversi tipi, al fine di facilitare l'analisi bioinformatica di big data e visualizzare in modo intuitivo le relazioni tra diverse entità appartenenti a network biologici.  
Un altro aspetto della mia ricerca si è focalizzato sui meccanismi regolativi dell'espressione genica, con particolare riferimento a molecole di RNA non codificante (microRNA). In tale ambito ho utilizzato sia strumenti bioinformatici in rete, quali predittori miRNA-target, programmi per l'annotazione genomica e dei trascritti, e l'arricchimento funzionale per l'individuazione delle cascate molecolari ("pathway") (Gene Ontology e pathway Enrichment); che sviluppo di algoritmi per la classificazione di tali molecole e l'analisi di dati di metatrascrittomica.

02/07/2018-01-07-2ad oggi

**Contratto di lavoro subordinato a tempo determinato con il profilo di Ricercatore III livello** (art. 23 del D.P.R. 12 febbraio 1991 n. 171),  
(n. protocollo lettera di assunzione n. 0001290 del 18/06/2018) presso l'ICAR-CNR, per lo svolgimento di attività di Supporto allo studio e sviluppo di applicazioni per la caratterizzazione di molecole di RNA non codificante nell'ambito del progetto "Bioinformatica Traslazionale".

## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Dal 1995 al 1999

**Diploma di maturità scientifica** conseguito il 13/07/1999 con la votazione di 86/100

30/07/2018

2

<ul style="list-style-type: none"> <li>• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione</li> </ul> <p>Dal 1999 al 2005</p>	<p>Istituto S. Cannizzaro di Palermo</p> <p><b>Laurea in Scienze Biologiche (V.O.)</b></p>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione</li> </ul>	<p>Università degli studi di Palermo nell'anno accademico 2004-2005 con la votazione 108/110 discutendo la tesi sperimentale dal titolo: <i>"Una regione di attacco alla matrice nucleare (MAR) colocalizza con l'enhancer blocker HB2.8 del gene c-Myc umano"</i> presso il Dipartimento di Oncologia Sperimentale e Applicazioni Cliniche di Palermo, conseguito il 21/07/2005.</p>
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio</li> </ul>	<p>Biologia Molecolare I e II; Genetica I e II; Biochimica I e II; Microbiologia; Laboratorio di Metodologie Genetiche; Metodologie Biochimiche.</p>
<p>Da gennaio 2006 a dicembre 2008 (conseguito il 06/04/2009)</p>	<p><b>Dottorato di Ricerca in Oncopatologia Cellulare e Molecolare XX Ciclo</b> presso il Dipartimento di Discipline Chirurgiche ed Oncologiche. Policlinico "P. Giaccone". Università degli Studi di Palermo, senza borsa di studio. (n.protocollo 1937/07). Tesi sperimentale dal titolo <i>"ATM germline mutations in women with familial breast cancer and a relative with haematological malignancy"</i>, basata sullo studio di alterazioni geniche nel gene ATM, in familiari di soggetti affetti da patologie ematologiche e familiarità per il carcinoma mammario (BRCA1/2 negativi). Nell'ambito di tale tesi ho applicato tecniche per l'analisi genetica e utilizzo di strumenti bioinformatici per la predizione di siti di splicing.</p>
<p>Novembre 2005</p>	<p><b>Abilitazione alla professione di Biologo</b></p>
<p>Dal 28-09-2006</p>	<p><b>Iscrizione all'Albo dei Biologi</b></p>
<p>Dal 15marzo 2007 al 15 ottobre 2007</p>	<p><b>Borsa di Studio</b> per il progetto di cui è oggetto di ricerca <b>lo studio di alterazioni geniche nel gene ATM ( Ataxia Telangiectasia Mutated)</b> e riarrangiamenti cromosomici in famiglie con storia familiare di carcinoma della mammella, emopatie, BRCA1 e BRCA2 negativi.</p>
<p>Dal 1 novembre 2007 al 1 novembre 2008</p>	<p><b>Borsa di studio</b> per il progetto dal titolo <b>"Il carcinoma coloretta: indicatori di diagnosi precoce, progressione e risposta al trattamento"</b>, Responsabile scientifico Prof. A Russo</p>
<p>Dal 2008 a giugno 2012</p>	<p>Esperienza nel campo della <b>diagnostica</b>:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- in qualità di biologa referente dell'analisi genetica dei Tumori Gastro-Intestinali Stromali (test genetico dei geni C-KIT e PDGFRa), nel Centro di Riferimento per tale patologia nell'Italia meridionale</li> <li>- test genetici del gene EGFR per il carcinoma polmonare</li> <li>- test genetici del gene KRAS per il carcinoma del polmone</li> <li>- test genetici del gene BRAF per il melanoma sporadico</li> <li>- test genetici dei geni BRCA1/2 per il carcinoma della mammella/ovaio di tipo ereditario</li> </ul>
<p>Dal 09/07/2012 (conseguito il 12/02/2014)</p>	<p><b>Master di II livello, in "Biotecnologie Applicate e Bioinformatica nello Studio e la Diagnosi di Malattie Genetiche"</b>, attivato presso la Facoltà di Scienze MM. FF. NN, coordinatore didattico Prof. Salvatore Feo. Nell'ambito di tale Master ho svolto una tesi sperimentale dal titolo <i>"Analisi dell'espressione differenziale di miRNA nel Carcinoma della Mammella mediante Biclustering"</i>, nella quale è stato applicato un algoritmo di biclustering al fine di caratterizzare cluster di miRNA, e definire potenziali marcatori nella patologia tumorale.</p>
<p>Dal 03/11/2012 al 24/11/2012</p>	<p><b>Corso Teorico Pratico: "I prelievi venosi e microbiologici: risultati, controlli, sicurezza"</b>, ABP in associazione con il Dipartimento Biomedico di Medicina Interna e Specialistica Policlinico Universitario "P. Giaccone", Palermo.</p>
<p>26/06/2013-30-10-2013</p>	<p><b>Stage</b> presso l'Istituto ICAR-CNR di Palermo con progetto inerente <b>l'Analisi dell'espressione differenziale di miRNA nel carcinoma della mammella mediante biclustering</b>, tutor Ing. A. M. Urso, nell'ambito del master di II livello in "Biotecnologie Applicate e Bioinformatica nello Studio e la Diagnosi di Malattie Genetiche", attivato presso la facoltà di Scienze MM. FF. NN, coordinatore prof. S. Feo.(n. protocollo 0002007 del 25/05/2015)</p>
<p>Marzo-maggio 2014</p>	<p><b>Tirocinio</b> presso il centro di analisi cliniche ad alta specializzazione <b>Locorotondo Labs</b>, di Palermo come <b>biologo prelevatore</b>.</p>
<p>30/07/2018</p>	

**Posizione valida in graduatoria** relativa al **concorso pubblico** per titoli ed esami per l'**assunzione con contratto di lavoro a tempo pieno e indeterminato di una unità di personale profilo Collaboratore Tecnico Enti di Ricerca, VI livello professionale** presso l'Istituto di Bioimmagini e Fisiologia Molecolare di Cefalù (PA) del Consiglio Nazionale delle Ricerche, di cui al bando 367.115 DSB IBFM CTER

## CAPACITÀ E COMPETENZE

### PERSONALI

*Acquisite nel corso della vita e della carriera ma non necessariamente riconosciute da certificati e diplomi ufficiali.*

#### PRIMA LINGUA

**ITALIANO**

#### ALTRE LINGUE

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

#### INGLESE

Ottima

Ottima

Ottima

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

#### FRANCESE

Ottima

Ottima

Ottima

## CAPACITÀ E COMPETENZE

### RELAZIONALI

*Vivere e lavorare con altre persone, in ambiente multiculturale, occupando posti in cui la comunicazione è importante e in situazioni in cui è essenziale lavorare in squadra (ad es. cultura e sport), ecc.*

Capacità di lavorare in "team" e relazionarsi con gli altri acquisita a seguito di un periodo di tirocinio presso il D.O.S.A.C (Dipartimento di Oncologia Sperimentale e Applicazioni Cliniche) e successivamente durante il Dottorato di Ricerca in Oncopatologia Cellulare e Molecolare di Palermo.

Durante le lezioni di didattica integrativa svolte al corso integrato di Biotecnologia in Oncologia Medica e vari seminari relativi alle tematiche oncologiche tenuti da me personalmente nel corso del Dottorato di Ricerca ho sviluppato le mie competenze relazionali e relative alla comunicazione, avendo avuto modo di interagire con classi di studenti e varie figure professionali dell'ambito medico.

Durante gli anni di attività di diagnostica presso l'U. O. di Oncologia Medica del Policlinico P. Giaccone di Palermo ho potuto ulteriormente sviluppare ed affinare le mie competenze relazionali e professionali e la gestione delle problematiche inerenti il rapporto col paziente ed i rapporti in ambito medico-scientifico.

## CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE BIOLOGICHE

Culture cellulari, trasfezioni cellulari, saggi EMSA, digestioni con enzimi di restrizione, frazionamento su gel di agarosio, saggi MAR, reazioni di PCR, retrotrascrizione, preparazione di gel di agarosio e gel di poliacrilammide, preparazioni di DNA (minipreps e maxipreps), elettroforesi mono e bidimensionali, colture batteriche, estrazione di DNA da tessuto, da sangue, da tessuto paraffinato, estrazione di RNA da tessuto, purificazione di DNA ed RNA da tessuto e da sangue, tecniche di sequenziamento genico (ABIPRISM 3100 Genetic Analyzer, Applied Biosystems), preparazione di estratti proteici nucleari e totali da colture cellulari e da tessuto, determinazione proteica in estratti nucleari e totali, Western blotting, Real-Time PCR, pirosequenziamento, DHPLC, MLPA, EMMA.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE  
BIOINFORMATICHE

Utilizzo di metodiche di biclustering (ISA2), metodica DESeq, per la valutazione di profili di espressione genica e di miRNA;  
utilizzo di tools computazionali per l'analisi di miRNA-target interaction (miRWalk 2.0, miRanda, TargetsCan.....)  
utilizzo di tools computazionali per la pathway analysis (KEGG, Reactome)  
utilizzo di tools per enrichment funzionale (GO, DAVID server)  
progettazione di database integrati per l'utilizzo di risorse web (BiographDB)  
progettazione di algoritmi per la classificazione di molecole non codificanti  
utilizzo di tools per l'analisi di dati trascrittomici e metatrascrittomici

ALTRE CAPACITÀ E COMPETENZE  
*Competenze non precedentemente  
indicate.*

Ottima conoscenza del PC operating system Microsoft Windows Xp con i seguenti programmi: Office 2000/XP (Latex, Word, Excel, PowerPoint), Google Chrome

Ottima capacità di espressione orale e scritta in lingua inglese acquisita nel corso di un soggiorno di sei mesi negli Stati Uniti nell'anno 2004 e di altri vari soggiorni sempre in America effettuati nel corso degli ultimi anni.

Ottima capacità di espressione orale e scritta in lingua francese ottenuta grazie alla formazione bilingue sperimentale effettuata durante gli anni del liceo ed al continuo aggiornamento ed allenamento linguistico degli anni successivi.

**LAVORI SCIENTIFICI**

**Lavori in estenso su riviste nazionali  
ed internazionali**

**Detection and quantification of mammaglobin in the blood of breast cancer patients: can it be useful as a potential clinical marker? Preliminary results of a GOIM (Gruppo Oncologico dell'Italia Meridionale) prospective study.**

Gargano G, Agnese V, Calò V, Corsale S, Augello C, Bruno L, **La Paglia L**, Gullo A, Ottini L, Russo A, Fulfarò F, Rinaldi G, Crosta A, Cicero G, Majorana O, Palmeri L, Cipolla C, Agrusa A, Gulotta G, Morello V, Di Fede G, Adamo V, Colucci G, Tomasino RM, Valerio MR, Bazan V, Russo A.  
Ann Oncol. 2006 Jun;17 Suppl 7:vii41-vii45., Online ISSN 1569-8041 - Print ISSN 0923-7534; ANVUR Classe A

**ATM germline mutations in women with familial breast cancer and a relative with haematological malignancy.**

Laura La Paglia, Anthony Laugé, Jérémie Weber, Jérôme Champ, Eve Cavaciu, Antonio Russo, Jean-Louis Viovy, Dominique Stoppa-Lyonnet, Breast cancer Res Treat , 29 april 2009, (ISSN) 0167-6806 (Print) 1573-7217 (Online); ANVUR Classe A

**Driver mutations and differential sensitivity to targeted therapies: a new approach to the treatment of lung adenocarcinoma**

Giuseppe Bronte, Sergio Rizzo, Laura La Paglia, Vincenzo Adamo, Sergio Siragusa, Corrado Ficorella, Daniele Santini, Viviana Bazan, Giuseppe Colucci, Nicola Gebbia, Antonio Russo  
Cancer Treatment Reviews 36S3 (2010) S21-S29, (ISSN) 0305-7372

**Review: The Clinical Significance of Unknown Sequence Variants in BRCA Genes**

Valentina Calò, Loredana Bruno, Laura La Paglia, Marco Perez, Naomi Margarese, Francesca Di Gaudio and Antonio Russo, Cancers 2010 ISSN 2072-6694, doi:10.3390/cancers2031644, ISSN: 2072-6694

**Review: How much of familial breast cancer risk is currently explained by the known genes?**

Di Gaudio F., La Paglia L., Calò V., Bruno L., Di Piazza F., Margarese N., Gulotta E., Cicero G., Bronte G, Rizzo S., Bazan V., and A. Russo. Curr. Wom. Health. Rew. 2012, vol 8, 38-43, ISSN 1875-6581

**What Are the Cancer Risks in BRCA Carriers Apart from Those Regarding the Breast and the Ovary?**

Francesca Di Gaudio,Valentina Calò Laura La Paglia, Loredana Bruno, Florinda Di Piazza, Naomi Margarese, Francesca Paola Guadagna, Girolamo Guarneri, Gaetana Rinaldi, Viviana Bazan and Antonio Russo. Curr. Wom. Health. Rew. ISSN (Online): 1875-6581  
VOLUME: 8 ISSUE: 1, DOI: 10.2174/157340412799079327 (2012)

**Analysis of miRNA Expression Profiles in Breast Cancer Using Biclustering**

Fiannaca, M. La Rosa, L. La Paglia, R. Rizzo, A. Urso  
BMC Bioinformatics, vol. 16, Suppl.4, p. S7, ISSN: 1471-2105, ANVUR Classe A (2015)

**MiRNATIP: a SOM-based miRNA-target interactions predictor**

Antonino Fiannaca, Massimo La Rosa, Laura La Paglia, Salvatore Vaglica, Riccardo Rizzo and Alfonso Urso  
BMC Bioinformatics (ISSN): 1471-2105, ANVUR Classe A, BMC Bioinformatics 2016(17 Suppl.11):43-52 · September 2016

**Review: Potential role of ANGPTL4 in the cross-talk between metabolism and cancer through PPAR signaling pathway**

Laura La Paglia, Angela Listi, Stefano Caruso, Valeria Amodeo, Francesco Passiglia, Viviana Bazan and Daniele Fanale  
PPAR Research, special issue entitled: "The Interplay between Metabolism, PPAR Signaling Pathway, and Cancer", *PPAR Research Volume 2017, Article ID 8187235, 15 pages, ISSN: 1687-4757, doi: 10.1155/2017/8187235* (2017)

**nRC: non-coding RNA Classifier based on structural features,**

Antonino Fiannaca, Massimo La Rosa, *Laura La Paglia*, Riccardo Rizzo, Alfonso Urso, BioData Mining, 2017 **10:27** vol. 10, ISSN: 1756-0381, doi: 10.1186/s13040-017-0148-2

**Deep Learning Models for Bacteria Taxonomic Classification of Metagenomic Data**

Antonino Fiannaca, *Laura La Paglia*, Massimo La Rosa, Giosue' Lo Bosco, Giovanni Renda, Riccardo Rizzo, Salvatore Gaglio, and Alfonso Urso,  
BMC-Bioinformatics *in press*

**BioGraph: a web application and a graph database for querying and analyzing bioinformatics resources**

Antonio Messina, Antonino Fiannaca, *Laura La Paglia*, Massimo La Rosa, and Alfonso Urso,  
BMC-System Biology *in press*

**miRTissue: a web application for the analysis of miRNA-target interactions in human tissues**

Antonino Fiannaca, *Laura La Paglia*, Massimo La Rosa, and Alfonso Urso,  
BMC-Bioinformatics *in press*

---

**Contributi in volume (capitoli o saggi)**

**Chapter: The Genetics of Breast Cancer:Application in Clinical Practice**

Antonio Russo , Valentina Agnese , Sergio Rizzo , Laura La Paglia , and Viviana Bazan.Current Clinical Oncology: Breast Cancer in the Post Genomic Era, Edited by A. Giordano and N. Normanno, DOI. 10: 1007/978-1-60327-945-1\_3, @Humana Press, a part of Springer Science+ Business Media, LIC 2009, ISBN 978-1-60327-945-1

**Chapter: The genetic counselling in oncology: Biomolecular and clinical Implications**

Antonio Russo, Sergio Rizzo, Valentina Calò, Loredana Bruno, Laura La Paglia, Nello Grassi,

Gianni Pantuso, Michele Frazzetta, Massimo Cajozzo, Domenico Guarneri, Giuseppe Lo Dico, Maria Buscemi, Nicola Gebbia and Viviana Bazan. *Experimental Medicine Reviews* Edited by A. Gerbino, G. Zummo, G. Crescimanno, Plumelia Ricerca (ISBN 978-89876-15-2) – vol 2/3 – 2008/2009.

**Chapter: Gene signature in GIST.**

Piotr Rutkowski, Giuseppe Badalamenti, Laura La Paglia, Joanna Przybył, Maria Debiec-Rychter  
Diagnostic, Prognostic and Therapeutic Values of Gene Signatures (Russo, Iacobelli and Iovanna), Springer, *Current Clinical Pathology*, E212808, DOI 10.1007/978-1-61779-358-5

**Opuscolo Informativo: I tumori della mammella e/o dell'ovaio di tipo eredo-familiare ed il counseling oncogenetico**

Antonio Russo, Valentina Calò, Sergio Rizzo, Loredana Bruno, Giuseppe Bronte, Elena Foddai, Laura La Paglia and Viviana Bazan.  
Ottobre 2009

**Proceedings in atti di congresso**

**A Problem-Driven Approach for Building a Bioinformatics GraphDB.**

A Fiannaca, M La Rosa, La Paglia L, A Messina, R Rizzo, A Urso (2017).  
In: (a cura di): Bracciali, Andrea; Caravagna, Giulio; Gilbert, David; Tagliaferri, Roberto,  
*Computational Intelligence Methods for Bioinformatics and Biostatistics. LECTURE NOTES IN COMPUTER SCIENCE*, vol. 10477, Berlin - Heidelberg:Springer International Publishing AG, ISBN: 978-3-319-67833-7, ISSN: 0302-9743, doi: 10.1007/978-3-319-67834-4\_11

**Gremlin language for querying BiographDB integrated biological database**

Antonino Fiannaca, *Laura La Paglia*, Massimo La Rosa, Antonio Messina, Riccardo Rizzo, Dario Stabile, Alfonso Urso, IWBBIO 2017 Conference, Lecture notes in computer science Springer, ISSN: 0302-9743, ISBN: 978-3-319-56147-9, n.collana 10208

**BioGraphDB: a new graphDB collecting heterogeneous data for bioinformatics analysis**

Antonino Fiannaca, Massimo La Rosa, Laura La Paglia, Antonio Messina, Alfonso Urso  
Biotechno2016, p.28-34, The Eighth International Conference on Bioinformatics,  
Biocomputational Systems and Biotechnologies, At Lisbon, Portugal, proceedings ISBN: 978-1-61208-488-6

**Integrated DB for bioinformatics: a case study on analysis of functional effect of miRNA SNPs in cancer**

Fiannaca A, La Paglia L, La Rosa M, Messina A, Urso A, ITBAM 2016 proceedings Chapter: Information Technology in Bio- and Medical Informatics, LNCS vol. 9832, pp.214-222, DOI: 10.1007/978-3-319-43949-5\_17

**Using the Gremlin language to solve biological tasks: a case study on BioGraphDB**

Fiannaca A, La Rosa M, **La Paglia L**, Messina A, Rizzo R, Urso A, CIBB 2016 proceedings, *Computational Intelligence Methods for Bioinformatics and Biostatistics - 13th International Meeting CIBB 2016, At Stirling, UK*

**Querying and analyzing biological data with BioGraph**

Antonio Messina, Antonino Fiannaca, Laura La Paglia, Massimo La Rosa and Alfonso Urso, Proceedings in PeerJ Preprints of NETTAB 2017 workshop collection

## Rapporti Tecnici

### **Design of a relational DB in clinical practice for storage and management of miRNA expression profiles.**

A. Fiannaca, M. La Rosa, L. La Paglia, R. Rizzo, A. Urso, riferimento rapporto tecnico N.: RT-ICAR-PA-16-05 (2016)

### **miRNAs differential expression analysis in healthy and BC patients subjected to a different dietary treatment, and investigation of their functional role by functional enrichment analysis**

A. Fiannaca, M. La Rosa, L. La Paglia, R. Rizzo, A. Urso, riferimento rapporto tecnico N.: RT-ICAR-PA-16-04 (2016)

*Si esprime il consenso al trattamento dei dati personali ai sensi della legge 675/96*  
Dr. Laura La Paglia